

Run Summary

SequenceServer 3.1.3 using BLASTN 2.16.0+, query submitted on 2024-10-29 04:07:35 UTC

Databases: Hereis assembly one 2022-04 , sequencesserver-5 hits (898 sequences, 110886216 characters)

Parameters: task megablast, evaluate 1e-20, max_target_seqs 50, sc-match 1, sc-mismatch -2, gap-open 0, gap-extend 0, filter L;m;

Please cite: <https://doi.org/10.1093/molbev/msz185>

Alignment Results

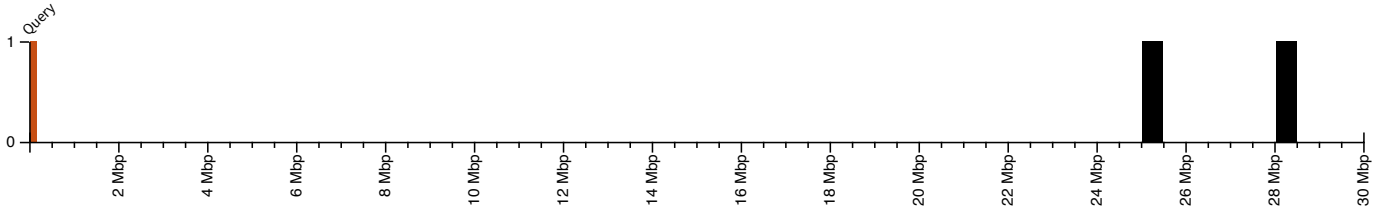
Query= Query_1

Length: 180

Graphical overview of aligning hit sequences to the query



Length distribution of matching hit sequences



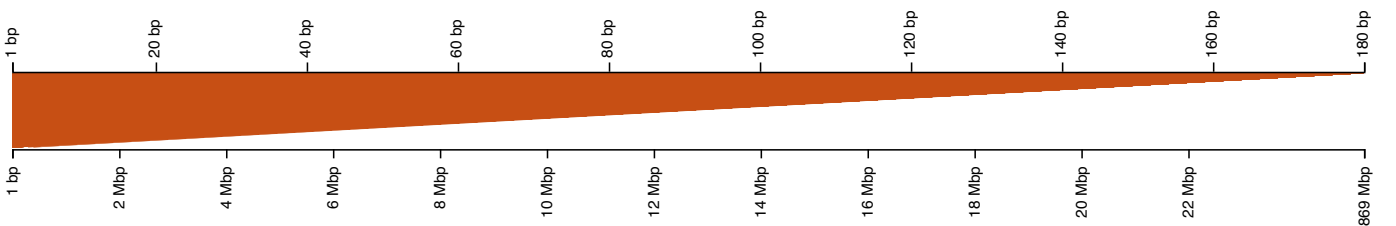
Hit sequences producing significant alignments

#	Similar sequences	Query coverage (%)	Total score	E value	Identity (%)
1.	ref NT_033778.4 Drosophila melanogaster chromosome 2R	100	20871	6.91×10 ⁻⁹¹	100%
2.	ref NT_037436.4 Drosophila melanogaster chromosome 3L	100	819	1.51×10 ⁻⁸²	97.2%

ref|NT_033778.4| Drosophila melanogaster chromosome 2R

Hit 1. Length: 25,286,936

Graphical overview of aligning region(s)



a. Score: 333.52 (180), E value: 6.91×10⁻⁹¹, Identity: 180/180 (100%), Gaps: 0/180 (0%), Strand: + / +

```
Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATGCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAAATGGGTGATTTCCGATTTCAAGT 103
      |||
Subject 121 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATGCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAAATGGGTGATTTCCGATTTCAAGT 223
Query 104 ACCAGACAACAGAGAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 180
      |||
Subject 224 ACCAGACAACAGAGAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 300
```

b. Score: 322.44 (174), E value: 1.49×10⁻⁸⁷, Identity: 178/180 (98.9%), Gaps: 0/180 (0%), Strand: + / +

```
Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATGCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAAATGGGTGATTTCCGATTTCAA 101
      |||
Subject 1401 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATGCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAAATGGGTGATTTCCGATTTCAA 1501
Query 102 GTACCAGACAACAGAGAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 180
      |||
Subject 1502 GAACCAGACAACAGAGAAGATACCTTCTACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 1580
```

c. Score: 322.44 (174), E value: 1.49×10⁻⁸⁷, Identity: 178/180 (98.9%), Gaps: 0/180 (0%), Strand: + / +

```
Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATGCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAAATGGGTGATTTCCGATTTCAA 101
      |||
Subject 7197 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATGCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAAATGGGTGATTTCCGATTTCAA 7297
Query 102 GTACCAGACAACAGAGAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 180
      |||
Subject 7298 GTACCAGACAACAGAGAAGATACCTTCTACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 7376
```

d. Score: 316.90 (171), E value: 6.96×10⁻⁸⁶, Identity: 177/180 (98.3%), Gaps: 0/180 (0%), Strand: + / +

```
Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATGCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAAATGGGTGATTTCCGATTTCAAGT 103
      |||
Subject 471 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATGCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAAATGGGTGATTTCCGATTTCAAGT 573
Query 104 ACCAGACAACAGAGAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 180
      |||
Subject 574 ACCAGACAACAGAGAAGATACCTTCTACAGATAATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 650
```

e. Score: 316.90 (171), E value: 6.96×10^{-86} , Identity: 177/180 (98.3%), Gaps: 0/180 (0%), Strand: + / +

Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATGCCTAAGTTTAAACAATTAAGCGGTCAAAAATGGGTGATTTCCGATTTCAA 101
|||||
Subject 1867 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATGCCTAAGTTTAAACAATTAAGCGGTCAAAAATGGGTGATTTCCGATTTCAA 1967
Query 102 GTACCAGACAAACAGAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 180
|||||
Subject 1968 GTACCAGACAAACAGAAGATACCTTCTACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 2046

f. Score: 316.90 (171), E value: 6.96×10^{-86} , Identity: 177/180 (98.3%), Gaps: 0/180 (0%), Strand: + / +

Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATGCCTAAGTTTAAACAATTAAGCGGTCAAAAATGGGTGATTTCCGATTTCAA 101
|||||
Subject 8726 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATGCCTAAGTTTAAACAATTAAGCGGTCAAAAATGGGTGATTTCCGATTTCAA 8826
Query 102 GTACCAGACAAACAGAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 180
|||||
Subject 8827 GTACCAGACAAACAGAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 8905

g. Score: 316.90 (171), E value: 6.96×10^{-86} , Identity: 177/180 (98.3%), Gaps: 0/180 (0%), Strand: + / +

Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATGCCTAAGTTTAAACAATTAAGCGGTCAAAAATGGGTGATTTCCGATTTCAA 101
|||||
Subject 9076 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATGCCTAAGTTTAAACAATTAAGCGGTCAAAAATGGGTGATTTCCGATTTCAA 9176
Query 102 GTACCAGACAAACAGAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 180
|||||
Subject 9177 GTACCAGACAAACAGAAGATACCTTCTACAGATAATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 9255

h. Score: 311.36 (168), E value: 3.24×10^{-84} , Identity: 176/180 (97.8%), Gaps: 0/180 (0%), Strand: + / +

Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATGCCTAAGTTTAAACAATTAAGCGGTCAAAAATGGGTGATTTCCGATTTCAA 101
|||
Subject 1051 AAGTACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATGCCTAAGTTTAAACAATTAATCGGTCAAAAATGGGTGATTTCCGATTTCAA 1151
Query 102 GTACCAGACAAACAGAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 180
|||||
Subject 1152 GTACCAGACAAACAGAAGATACCTTCTACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 1230

i. Score: 311.36 (168), E value: 3.24×10^{-84} , Identity: 176/180 (97.8%), Gaps: 0/180 (0%), Strand: + / +

Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATGCCTAAGTTTAAACAATTAAGCGGTCAAAAATGGGTGATTTCCGATTTCAA 101
|||||
Subject 3265 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATGCCTAAGTTTAAACAATTAAGCGGTCAAAAATGGGTGATTTCCGATTTCAA 3365
Query 102 GTACCAGACAAACAGAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 180
|||||
Subject 3366 GTACCAGACAAACAGAAGATACCTTCTACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 3444

j. Score: 311.36 (168), E value: 3.24×10^{-84} , Identity: 176/180 (97.8%), Gaps: 0/180 (0%), Strand: + / +

Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATGCCTAAGTTTAAACAATTAAGCGGTCAAAAATGGGTGATTTCCGATTTCAA 101
|||||
Subject 5435 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATGCCTAAGTTTAAACAATTAAGCGGTCAAAAATGGGTGATTTCCGATTTCAA 5535
Query 102 GTACCAGACAAACAGAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 180
|||||
Subject 5536 GTACCAGACAAACAGAAGATACCTTCTACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 5614

k. Score: 311.36 (168), E value: 3.24×10^{-84} , Identity: 176/180 (97.8%), Gaps: 0/180 (0%), Strand: + / +

Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATGCCTAAGTTTAAACAATTAAGCGGTCAAAAATGGGTGATTTCCGATTTCAA 101
|||
Subject 6018 AAGGACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATGCCTAAGTTTAAACAATTAAGCGGTCAAAAATGGGTGATTTCCGATTTCAA 6118
Query 102 GTACCAGACAAACAGAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 180
|||||
Subject 6119 GTACCAGACAAACAGAAGATACCTTCTACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 6197

l. Score: 311.36 (168), E value: 3.24×10^{-84} , Identity: 176/180 (97.8%), Gaps: 0/180 (0%), Strand: + / +

Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATGCCTAAGTTTAAACAATTAAGCGGTCAAAAATGGGTGATTTCCGATTTCAA 101
|||||
Subject 6251 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATGCCTAAGTTTAAACAATTAAGCGGTCAAAAATGGGTGATTTCCGATTTCAA 6351
Query 102 GTACCAGACAAACAGAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 180
|||||
Subject 6352 GTACCAGACAAACAGAAGATACCTTCTACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 6430

m. Score: 305.82 (165), E value: 1.51×10^{-82} , Identity: 176/181 (97.2%), Gaps: 1/181 (0.6%), Strand: + / +

Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTA-AGCAAAAACAGTAAATGCCTAAGTTTAAACAATTAAGCGGTCAAAAATGGGTGATTTCCGATTTCAA 100
|||
Subject 2332 AAGATACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTACAGCAAAAACAGTAAATGCCTAAGTTTAAACAATTAAGCGGTCAAAAATGGGTGATTTCCGATTTCAA 2432
Query 101 AGTACCAGACAAACAGAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 180
|||||
Subject 2433 AGTACCAGACAAACAGAAGATACCTTCTACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 2512

n. Score: 305.82 (165), E value: 1.51×10^{-82} , Identity: 175/180 (97.2%), Gaps: 0/180 (0%), Strand: + / +

Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATGCCTAAGTTTAAACAATTAAGCGGTCAAAAATGGGTGATTTCCGATTTCAA 101

Subject 2799 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCACCTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTACATTTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTCCGATTTCAA 2899
Query 102 GTACCAGACAAAACAGAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 180
Subject 2900 GTACCAGACAAAACAGAAGATACCTTCTACAGATTATTTAAACCTGGCACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 2978

o. Score: 303.97 (164), E value: 5.41×10⁻⁸², Identity: 175/180 (97.2%), Gaps: 1/180 (0.6%), Strand: + / +

Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCACCTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTCCGATTTCC 99
Subject 21158 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCACCTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTCCGATTTCC 21256
Query 100 AAGTACCAGACAAAACAGAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 180
Subject 21257 AAGTACCAGACAAAACAGAAGATACCTTCTACAGATTATTTAAACCTGGTACAG-AAAAACAATAAATTGACTAAATTATGTC 21336

p. Score: 303.97 (164), E value: 5.41×10⁻⁸², Identity: 175/180 (97.2%), Gaps: 1/180 (0.6%), Strand: + / +

Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCACCTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTCCGATTTCC 99
Subject 23212 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCACCTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTCCGATTTCC 23310
Query 100 AAGTACCAGACAAAACAGAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 180
Subject 23311 AAGTACCAGACAAAACAGAAGATACCTTCTACAGATTATTTAAACCTGGTACAG-AAAAACAATAAATTGACTAAATTATGTC 23390

q. Score: 300.28 (162), E value: 7.00×10⁻⁸¹, Identity: 174/180 (96.7%), Gaps: 0/180 (0%), Strand: + / +

Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCACCTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTCCGATTTCAA 101
Subject 1634 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCACCTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTACATTATAAGCGGTCAAATGGGTGATTTCCGATTTCAA 1734
Query 102 GTACCAGACAAAACAGAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 180
Subject 1735 GTACCAGACAAAACAGAAGATACCTTCTACAGATTACTTAAACCTGGCACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 1813

r. Score: 300.28 (162), E value: 7.00×10⁻⁸¹, Identity: 174/180 (96.7%), Gaps: 0/180 (0%), Strand: + / +

Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCACCTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTCCGATTTCAA 101
Subject 2566 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCACCTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTACATTATAAGCGGTCAAATGGGTGATTTCCGATTTCAA 2666
Query 102 GTACCAGACAAAACAGAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 180
Subject 2667 GTACCAGACAAAACAGAAGATACCTTCTACAGATTATTTAAACCTGGCACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 2745

s. Score: 296.58 (160), E value: 9.06×10⁻⁸⁰, Identity: 170/175 (97.1%), Gaps: 0/175 (0%), Strand: + / +

Query 6 ACCTTCTAGAGATTCTGTTCACCTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTCCGATTTCAAGTACC 106
Subject 8264 ACCTTCTAGAGATTCTGTTCACCTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTGAGTTTACATTTTAAAGCGGTCAAATGGGTGATTTCCGATTTCAAGTACC 8364
Query 107 AGACAAAACAGAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 180
Subject 8365 AGACAAAACAGAAGATACCTTCTACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTACTAAGTTATGTC 8438

t. Score: 294.74 (159), E value: 3.26×10⁻⁷⁹, Identity: 173/180 (96.1%), Gaps: 0/180 (0%), Strand: + / +

Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCACCTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTCCGATTTCAA 101
Subject 2100 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCACCTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTACATTATAAGCGGTCAAATGGGTGATTTCCGATTTCAA 2200
Query 102 GTACCAGACAAAACAGAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 180
Subject 2201 GTACCAGACACACAGAAGATACCTTCTACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 2279

u. Score: 294.74 (159), E value: 3.26×10⁻⁷⁹, Identity: 173/180 (96.1%), Gaps: 0/180 (0%), Strand: + / +

Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCACCTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTCCGATTTCAA 101
Subject 5668 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCACCTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTCCGATTTCAA 5768
Query 102 GTACCAGACAAAACAGAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 180
Subject 5769 GTACCAGACACACAGAAGATACCTTCTACAGATTATTTAAACCTGATACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 5847

v. Score: 291.04 (157), E value: 4.22×10⁻⁷⁸, Identity: 165/169 (97.6%), Gaps: 0/169 (0%), Strand: + / +

Query 11 CTAGAGATTCTGTTCACCTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTCCGATTTCAAGTACCAGA 109
Subject 20274 CTAGAGATTCTGTTCACCTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTACATTTTAAAGCGGTCAAATGGGTGATTTCCGATTTCAAGTACCAGA 20372
Query 110 CAAACAGAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGT 179
Subject 20373 CACACAGAAGATACCTTCTACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGT 20442

w. Score: 289.20 (156), E value: 1.52×10⁻⁷⁷, Identity: 169/175 (96.6%), Gaps: 1/175 (0.6%), Strand: + / +

Query 6 ACCTTCTAGAGATTCTGTTCACCTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTCCGATTTCAAGTACCAG 108
Subject 824 ACCTTCTAGATATTCTGTTCACCTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTGAGTTTACATTTTAAAGCGGTCAAATGGGTGATTTCCGATTTCAAGTACCAG 926

Query 109 ACAACAGAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 180
|||||
Subject 927 ACAACAGAGATACCTTCTACAGATTA-TTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 997

x. Score: 289.20 (156), E value: 1.52×10⁻⁷⁷, Identity: 172/180 (95.6%), Gaps: 0/180 (0%), Strand: + / +

Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTTCCGATTTCAA 101
|||||
Subject 3032 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCTAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTACATTATAAGCGGTCAAATGGGTGATTTTCCGATTTCAA 3132
Query 102 GTACCAGACAAAACAGAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 180
|||||
Subject 3133 GTACCAGACAAAACAGAGATACCTTCTACAGATTACTTAAACCTGGCACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 3211

y. Score: 289.20 (156), E value: 1.52×10⁻⁷⁷, Identity: 169/175 (96.6%), Gaps: 1/175 (0.6%), Strand: + / +

Query 6 ACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTTCCGATTTCAAGTACC 106
|||||
Subject 9429 ACCTTCTAGATATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTGAGTTTTACATTTTAAAGCGGTCAAATGGGTGATTTTCCGATTTCAAGTACC 9529
Query 107 AGACAAAACAGAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 180
|||||
Subject 9530 AGACAAAACAGAGATACCTTCTACAGATTA-TTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 9602

z. Score: 281.81 (152), E value: 2.54×10⁻⁷⁵, Identity: 171/180 (95%), Gaps: 1/180 (0.6%), Strand: + / +

Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTTCCGATTTCAA 101
|||||
Subject 4624 AAGATACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTACGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTACATTTTAAAGCGGTCAAATGGGTGATTTTCCGATTTCAA 4724
Query 102 GTACCAGACAAAACAGAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 180
|||||
Subject 4725 GTACCAGACACAGAGATACCTTCTACAGATTATTTAAACCTGGTACAG-AAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 4802

aa. Score: 281.81 (152), E value: 2.54×10⁻⁷⁵, Identity: 164/170 (96.5%), Gaps: 0/170 (0%), Strand: + / +

Query 11 CTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTTCCGATTTCAAGTACCAGA 109
|||||
Subject 18810 CTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGTCTAAGTTTTACATTTAAAGCGGTCAAATGGGTGATTTTCCGATTTCAAGTACCAGA 18908
Query 110 CAAACAGAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 180
|||||
Subject 18909 CACACAGAGATACCTTCTACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 18979

ab. Score: 281.81 (152), E value: 2.54×10⁻⁷⁵, Identity: 162/167 (97%), Gaps: 0/167 (0%), Strand: + / +

Query 11 CTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTTCCGATTTCAAGTACCAGA 109
|||||
Subject 20851 CTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTTACATTTTAAAGCGATCAAATGGGTGATTTTCCGATTTCAAGTACCAGA 20949
Query 110 CAAACAGAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTAT 177
|||||
Subject 20950 CACACAGAGATACCTTCTACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTAT 21017

ac. Score: 281.81 (152), E value: 2.54×10⁻⁷⁵, Identity: 164/170 (96.5%), Gaps: 0/170 (0%), Strand: + / -

Query 11 CTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTTCCGATTTCAAGTACCAGA 109
|||||
Subject 26968 CTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTTACATTTTAAAGCGGTCAAATGGGTGATTTTCCGATTTCAAGTACCAGA 26870
Query 110 CAAACAGAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 180
|||||
Subject 26869 CAAACAGAGATACCTTTTACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAGTAAATTGACTAATTTATGTC 26799

ad. Score: 278.12 (150), E value: 3.28×10⁻⁷⁴, Identity: 170/180 (94.4%), Gaps: 0/180 (0%), Strand: + / -

Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTTCCGATTTCC 99
|||||
Subject 38866 AAGATACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTACGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTACATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTTACGATTTCC 38768
Query 100 AAGTACCAGACAAAACAGAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 180
|||||
Subject 38767 AAGTACCTGACAAAACAGAGATACCTTCAACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 38687

ae. Score: 276.27 (149), E value: 1.18×10⁻⁷³, Identity: 170/180 (94.4%), Gaps: 1/180 (0.6%), Strand: + / +

Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTTCCGATTTCC 99
|||||
Subject 22060 AAGATACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTACGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTACATTTTAAAGCGGTCAAATGGGTGATTTTCCGATTTCC 22158
Query 100 AAGTACCAGACAAAACAGAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 180
|||||
Subject 22159 AAGTACCAGACACACAGAGATACCTTCTACAGATTATTTAAACCTGGTACAG-AAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 22238

af. Score: 276.27 (149), E value: 1.18×10⁻⁷³, Identity: 170/180 (94.4%), Gaps: 1/180 (0.6%), Strand: + / +

Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTTCCGATTTCC 99
|||||
Subject 22617 AAGATACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTACGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTACATTTTAAAGCGGTCAAATGGGTGATTTTCCGATTTCC 22715
Query 100 AAGTACCAGACAAAACAGAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 180
|||||

ag. Score: 276.27 (149), E value: 1.18×10^{-73} , Identity: 170/180 (94.4%), Gaps: 1/180 (0.6%), Strand: + / +

Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTTCCGATTTC 99
|||||
Subject 23561 AAGATACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTACGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTACATATTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTTCCGATTTC 23659
Query 100 AAGTACCAGACAAAACAGAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 180
|||||
Subject 23660 AAGTACCAGACACAGAAGATACCTTCTACAGATTATTTAAACCTGGTACAG-AAAACAATAAATTGACTAAATTATGTC 23739

ah. Score: 276.27 (149), E value: 1.18×10^{-73} , Identity: 170/180 (94.4%), Gaps: 1/180 (0.6%), Strand: + / +

Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTTCCGATTTC 99
|||||
Subject 24118 AAGATACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTACGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTACATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTTCCGATTTC 24216
Query 100 AAGTACCAGACAAAACAGAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 180
|||||
Subject 24217 AAGTACCAGACACAGAAGATACCTTCTACAGATTATTTAAACCTGGTACAG-AAAACAATAAATTGACTAAATTATGTC 24296

ai. Score: 276.27 (149), E value: 1.18×10^{-73} , Identity: 163/170 (95.9%), Gaps: 0/170 (0%), Strand: + / -

Query 11 CTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTTCCGATTTCAGTACCAGA 109
|||||
Subject 32204 CTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTACATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTTCCGATTTCAGTACCAGA 32106
Query 110 CAAACAGAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 180
|||||
Subject 32105 CAAACAGAAGATACCTTCTACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAACAGTAAATTGACTAATTATGTC 32035

aj. Score: 272.58 (147), E value: 1.53×10^{-72} , Identity: 169/180 (93.9%), Gaps: 0/180 (0%), Strand: + / +

Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTTCCGATTTC 101
|||||
Subject 3498 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAACAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTACATTATAAGCGGGCAAATGGGTGATTTTCCGATTTC 3598
Query 102 GTACCAGACAAAACAGAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 180
|||||
Subject 3599 GTACCAGACACAGAAGATACCTTCTACAGATTATTTAAGCTGGTACACAAAACAATAAATTGACTAAGTTGTC 3677

ak. Score: 272.58 (147), E value: 1.53×10^{-72} , Identity: 169/180 (93.9%), Gaps: 0/180 (0%), Strand: + / +

Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTTCCGATTTC 101
|||||
Subject 6964 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTACATTATAAGCGGTCAAATGGGTGATTTTCCGATTTC 7064
Query 102 GTACCAGACAAAACAGAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 180
|||||
Subject 7065 GTACCATACACAAAAGATACCTTCTAAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 7143

al. Score: 268.88 (145), E value: 1.98×10^{-71} , Identity: 162/170 (95.3%), Gaps: 1/170 (0.6%), Strand: + / +

Query 11 CTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTTCCGATTTCAGTACCAGA 109
|||||
Subject 18469 CTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTTCCGATTTCAGTACCAGA 18567
Query 110 CAAACAGAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 180
|||||
Subject 18568 CACACAGAAGATACCTTCTACAGATTATTTAAACCTGGTACAG-AAAACAATAAATTGACTAAATTATGTC 18637

am. Score: 257.81 (139), E value: 4.28×10^{-68} , Identity: 143/145 (98.6%), Gaps: 0/145 (0%), Strand: + / +

Query 36 CAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTTCCGATTTCAGTACCAGACAAAACAGAAGATACCTTATACAGATTA 136
|||||
Subject 6766 CAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTTCCGATTTCAGTACCAGACAAAACAGAAGATACCTTCTACAGATTA 6866
Query 137 TTTAAACCTGGTACACAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 180
|||||
Subject 6867 TTTAAACCTGGTACACAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 6910

an. Score: 254.11 (137), E value: 5.53×10^{-67} , Identity: 159/170 (93.5%), Gaps: 0/170 (0%), Strand: + / +

Query 11 CTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTTCCGATTTCAGTACCAGA 109
|||||
Subject 17630 CTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTATACATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTTCCGATTTCAGTACCAGA 17728
Query 110 CAAACAGAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 180
|||||
Subject 17729 TAAACAGAAGATACTACTAAGATTATTTAAACCTGGTTCACACAAAACAATAAATTGCCTAAGTTATGTC 17799

ao. Score: 252.26 (136), E value: 1.99×10^{-66} , Identity: 142/145 (97.9%), Gaps: 0/145 (0%), Strand: + / +

Query 36 CAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTTCCGATTTCAGTACCAGACAAAACAGAAGATACCTTATACAGATTA 136
|||||
Subject 7480 CAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTTCCGATTTCAGTACCAGACAAAACAGAAGATACCTTCTACAGATTA 7580
Query 137 TTTAAACCTGGTACACAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 180
|||||
Subject 7581 TTTAAACCTGGTACACAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 7624

Subject 33322 AAGATACCTTCTAGAGATTCTGTTCAA-CTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTACATTTAAGCGGTCAAAATGAGTGATTTCCGATTTCC 33224
Query 100 AAGTACCAGACAAAACAGAAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGT 179
Subject 33223 AAGTTATAGGCGAACTGAAGATACCTTCTACAGAATATTTAAATCTGGTACACAAAACAATAAATTGAAAATGTTATGT 33144

az. Score: 233.80 (126), E value: 7.21×10^{-61} , Identity: 164/182 (90.1%), Gaps: 3/182 (1.6%), Strand: + / +

Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAA-CTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTT-TAACAATTTAAGCGGTCAAAATGGGTGATTTCCGATTTCC 99
Subject 6367 AAGATACCTTCTACAGATTAT-TTAAACCTGGTACACAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTCATTTAAGCGGTCAAAATGGGTGATTTCCGATTTCC 6466
Query 100 AAGTACCAGACAAAACAGAAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGT 180
Subject 6467 ATGTACCAGACAAAACAGAAAGATACCTTCTACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGT 6547

ba. Score: 233.80 (126), E value: 7.21×10^{-61} , Identity: 164/182 (90.1%), Gaps: 4/182 (2.2%), Strand: + / +

Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAA-CTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTT-TAACAATTTAAGCGGTCAAAATGGGTGATTTCCGATTTCC 99
Subject 7794 AAGATACCTTCTACAGATTAT-TTAAACCTGGTACACAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTCATTTAAGCGGTCAAAATGGGTGATTTCCGATTTCC 7893
Query 100 AAGTACCAGACAAAACAGAAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGT 180
Subject 7894 AAGTACCAGACAAAACAGAAAGATACCTTCTACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGT 7973

bb. Score: 233.80 (126), E value: 7.21×10^{-61} , Identity: 164/182 (90.1%), Gaps: 3/182 (1.6%), Strand: + / +

Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAA-CTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTT-TAACAATTTAAGCGGTCAAAATGGGTGATTTCCGATTTCC 99
Subject 8375 AAGATACCTTCTACAGATTAT-TTAAACCTGGTACACAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTCATTTAAGCGGTCAAAATGGGTGATTTCCGATTTCC 8474
Query 100 AAGTACCAGACAAAACAGAAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGT 180
Subject 8475 AAGTACCAGACAAAACAGAAAGATACCTTCTACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGT 8555

bc. Score: 233.80 (126), E value: 7.21×10^{-61} , Identity: 165/183 (90.2%), Gaps: 5/183 (2.7%), Strand: + / +

Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAA-CTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTA--ACAATTTAAGCGGTCAAAATGGGTGATTTCCGATTTCC 98
Subject 8492 AAGATACCTTCTACAGATTAT-TTAAACCTGGTACACAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTCATTTAAGCGGTCAAAATGGGTGATTTCCGATTTCC 8590
Query 99 CAAGTACCAGACAAAACAGAAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGT 180
Subject 8591 CAAGTACCAGACAAAACAGAAAGATACCTTCTACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGT 8672

bd. Score: 233.80 (126), E value: 7.21×10^{-61} , Identity: 164/182 (90.1%), Gaps: 3/182 (1.6%), Strand: + / -

Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAA-CTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTT-TAACAATTTAAGCGGTCAAAATGGGTGATTTCCGATTTCC 97
Subject 38633 AAGATACCTTCTACAGAAATAT-TTAAATCTGGTACACAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTCATTTAAGCGGTCAAAATGGGTGATTTCCGATTTCC 38536
Query 98 TCAAGTACCAGACAAAACAGAAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGT 180
Subject 38535 TCAAGTACCTGACAAAACAGAAAGATACCTTCAACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGT 38453

be. Score: 230.10 (124), E value: 9.32×10^{-60} , Identity: 159/176 (90.3%), Gaps: 2/176 (1.1%), Strand: + / +

Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAA-CTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAAATGGGTGATTTCCGATTTCAA 101
Subject 8143 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAA-CTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTACATTTAAGCGGTCAAAATGGGTGATTTCCGATTTCAA 8243
Query 102 GTACCAGACAAAACAGAAAGATACCTTATACAGATTAT-TTAAACCTGGTACACAAAACAATAAATTGACTAAGTT 175
Subject 8244 GTACCAGACAAAACAGAAATACCTTCTAGAGATTCTGTTCAA-CTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTGAGTT 8317

bf. Score: 230.10 (124), E value: 9.32×10^{-60} , Identity: 160/177 (90.4%), Gaps: 3/177 (1.7%), Strand: + / -

Query 6 ACCTTCTAGAGATTCTGTTCAA-CTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTT-TAACAATTTAAGCGGTCAAAATGGGTGATTTCCGATTTCAAG 102
Subject 38394 ACCTTCTACAGAAATAT-TTAAATCTGGTACACAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTCATTTAAGCGGTCAAAATGGGTGATTTCCGATTTCAAG 38297
Query 103 TACCAGACAAAACAGAAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGT 180
Subject 38296 TACCTGACAAAACAGAAAGATACCTTCAACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGT 38219

bg. Score: 228.26 (123), E value: 3.35×10^{-59} , Identity: 163/182 (89.6%), Gaps: 3/182 (1.6%), Strand: + / +

Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAA-CTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTT-TAACAATTTAAGCGGTCAAAATGGGTGATTTCCGATTTCC 97
Subject 17736 AAGATAACTACTAAGATTAT-TTAAACCTGGTACACAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTCATTTAAGCGGTCAAAATGGGTGATTTCCGATTTCC 17833
Query 98 TCAAGTACCAGACAAAACAGAAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGT 180
Subject 17834 TCAAGTACCAGACACACAGAAAGATACCTTCTACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGT 17916

bh. Score: 224.56 (121), E value: 4.34×10^{-58} , Identity: 158/176 (89.8%), Gaps: 2/176 (1.1%), Strand: + / +

Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAA-CTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAAATGGGTGATTTCCGATTTCAAG 103
Subject 703 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAA-CTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTACATTTAAGCGGTCAAAATGGGTGATTTCCGATTTAAAGT 805

Query 104 ACCAGACAAACAGAAAGATACCTTATACAGATTAT-TTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTT 175
|||||
Subject 806 ACCAGACAAACAGAAATACCTTCTAGATATTCTGTTCAAC-TGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTGAGTT 877

bi. Score: 224.56 (121), E value: 4.34×10⁻⁵⁸, Identity: 158/176 (89.8%), Gaps: 2/176 (1.1%), Strand: + / +

Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTCCGATTTC 101
|||||
Subject 9308 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTCCAAATTTAA 9408
Query 102 GTACCAGACAAACAGAAAGATACCTTATACAGATTAT-TTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTT 175
|||||
Subject 9409 GTACCAGACAAACAGAAATACCTTCTAGATATTCTGTTCAAC-TGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTGAGTT 9482

bj. Score: 222.72 (120), E value: 1.56×10⁻⁵⁷, Identity: 162/182 (89%), Gaps: 3/182 (1.6%), Strand: + / -

Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAA-CTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTT-TAAACAATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTCCGATT 97
|||||
Subject 45046 AAGATACCTTCTACAGATGAT-TTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAATTTATGTCATTTTAAAGCGGTCAAATGGGTGATTTCCGCTT 44949
Query 98 TCAAGTACCAGACAAACAGAAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 180
|||||
Subject 44948 TCAAGTACCAGACAAAGAGAAGATACCTTCTACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 44866

bk. Score: 217.18 (117), E value: 7.26×10⁻⁵⁶, Identity: 156/175 (89.1%), Gaps: 1/175 (0.6%), Strand: + / +

Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTCCGATTTC 99
|||||
Subject 15717 AAGATACCTACTAAAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGCCTAAG-TTGTCAATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTCCGCTTT 15814
Query 100 AAGTACCAGACAAACAGAAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTT 175
|||||
Subject 15815 AAGTACCAGATAAACAGAAAGATACCTTCTACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTT 15890

bl. Score: 217.18 (117), E value: 7.26×10⁻⁵⁶, Identity: 161/182 (88.5%), Gaps: 3/182 (1.6%), Strand: + / +

Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAA-CTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTT-TAAACAATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTCCGATT 97
|||||
Subject 19916 AAGATACCTACTAAAGATTAT-TTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTGTGTCATTTTAAAGCGGTCAAATGGGTGATTTCCGATT 20013
Query 98 TCAAGTACCAGACAAACAGAAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 180
|||||
Subject 20014 TCAAGTACCAGATAAATAGAAGATACCTACTAAAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 20096

bm. Score: 217.18 (117), E value: 7.26×10⁻⁵⁶, Identity: 161/182 (88.5%), Gaps: 3/182 (1.6%), Strand: + / -

Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAA-CTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTT-TAAACAATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTCCGATT 97
|||||
Subject 38165 AAGATACCTTCTACAGAATAT-TTAAATCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTGTGTCATTTTAAAGCGGTCAAATCGGGTATTTCCGATT 38068
Query 98 TCAAGTACCAGACAAACAGAAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 180
|||||
Subject 38067 TCAAGTACCAGATAAACAGAAAGATACCTTCTACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 37985

bn. Score: 217.18 (117), E value: 7.26×10⁻⁵⁶, Identity: 160/181 (88.4%), Gaps: 1/181 (0.6%), Strand: + / -

Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTT-TAAACAATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTCCGATT 98
|||||
Subject 39100 AAGATACCTACTAAAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTGTGTCATTTTAAAGCGGTCAAATCGGGTATTTCCGATT 39002
Query 99 CAAGTACCAGACAAACAGAAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 180
|||||
Subject 39001 CAAGTACCAGATAAACAGAAAGATACCTTCTACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 38920

bo. Score: 217.18 (117), E value: 7.26×10⁻⁵⁶, Identity: 161/180 (89.4%), Gaps: 11/180 (6.1%), Strand: + / -

Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTCCGATTTC 99
|||||
Subject 39537 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTACGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTACATTTTACGCGGTCAAATGGGTGATTTCCGATTTC 39439
Query 100 AAGTACCAGACAAACAGAAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 180
|||||
Subject 39438 AAGCACCAGACAAACAGAAAGATACCTTCTACAGAT-----GGTACACAAAAACAATAAATTGAAAAAGTTATGTC 39369

bp. Score: 217.18 (117), E value: 7.26×10⁻⁵⁶, Identity: 160/181 (88.4%), Gaps: 1/181 (0.6%), Strand: + / -

Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTT-TAAACAATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTCCGATT 98
|||||
Subject 39771 AAGATACCTACTAAAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTGTGTCATTTTAAAGCGGTCAAATCGGGTATTTCCGATT 39673
Query 99 CAAGTACCAGACAAACAGAAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 180
|||||
Subject 39672 CAAGTACCAGATAAACAGAAAGATACCTTCTACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 39591

bq. Score: 217.18 (117), E value: 7.26×10⁻⁵⁶, Identity: 161/182 (88.5%), Gaps: 3/182 (1.6%), Strand: + / -

Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAA-CTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTT-TAAACAATTTAAGCGGTCAAATGGGTGATTTCCGATT 97
|||||
Subject 52205 AAGATACCTACTAAAGATTAT-TTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTGTGTCATTTTAAAGCGGTCAAATGGGTGATTTCCGATT 52108
Query 98 TCAAGTACCAGACAAACAGAAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 180
|||||

Subject 22176 AAGATACCTTCTACAGATTAT-TTAAACCTGGT-A-CAGAAAACAATAAATTGACTAAATTTATGTCATTTTAAGCGGTCAAAATGGTGATTTCCGAT 22271
Query 97 TTCAAGTACCAGACAAAACAGAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 180
Subject 22272 TTCAAATACCAGATAAACAGAAGATACCTACTAAAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTAAATGTC 22355

ck. Score: 206.10 (111), E value: 1.57×10^{-52} , Identity: 159/182 (87.4%), Gaps: 3/182 (1.6%), Strand: + / -

Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAA-CTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTCGCTAAGTTTAAACAA-TTAAAGCGGTCAAAATGGGTGATTTCCGATT 97
Subject 45393 AAGATACCTTCTACAGATTAT-TTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAATTTATGTAATTTAAGCGGTCAAAATGGTGATTTCCGATT 45296
Query 98 TCAAGTACCAGACAAAACAGAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 180
Subject 45295 TCAAGTACCAGATAAACAGGAGATACCTACTAAAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 45213

cl. Score: 204.25 (110), E value: 5.65×10^{-52} , Identity: 160/183 (87.4%), Gaps: 7/183 (3.8%), Strand: + / +

Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAA-CTGGTAAGCA-AAAAACAGTAAATTCGCTAAGTT-TAACAAATTTAAGCGGTCAAAATGGGTGATTTCCGATT 98
Subject 5203 AAGA-ACCTTCTACAGATTAT-TTAAACCTGGT-A-CAGAAAACAATAAATTGACTAAATTTATGTCATTTAAGCGGTCAAAATGGTGATTTCCGATT 5299
Query 99 CAAGTACCAGACAAAACAGAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 180
Subject 5300 CAAATACCAGATAAACAGAAGATACCTACTAAAGATTAAATTAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 5381

cm. Score: 200.56 (108), E value: 7.31×10^{-51} , Identity: 158/182 (86.8%), Gaps: 4/182 (2.2%), Strand: + / +

Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAA-CTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTCGCTAAGTT-TAACAAATTTAAGCGGTCAAAATGGGTGATTTCCGATTTC 99
Subject 6484 AAGATACCTTCTACAGATTAT-TTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTCATTTAAGCGGTCAAAATGGGTGA-TTTCGATTTC 6582
Query 100 AAGTACCAGACAAAACAGAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 180
Subject 6583 AAGCAATAGGCGAECTAAGATACCTTCTACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAAGAATAAATTGACTAAGTTATGTC 6663

cn. Score: 200.56 (108), E value: 7.31×10^{-51} , Identity: 158/182 (86.8%), Gaps: 3/182 (1.6%), Strand: + / +

Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAA-CTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTCGCTAAGTT-TAACAAATTTAAGCGGTCAAAATGGGTGATTTCCGATT 97
Subject 10114 AAGATACCTTCTACAGATTAT-TTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAATTTATGTCATTTAAGCGGTGAACATTGGTGATTTCCGATT 10211
Query 98 TCAAGTACCAGACAAAACAGAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 180
Subject 10212 TCAAGTACCAGATAAACAGAAGATACCTACTAAAGATTATTTAACTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTGTC 10294

co. Score: 200.56 (108), E value: 7.31×10^{-51} , Identity: 158/182 (86.8%), Gaps: 3/182 (1.6%), Strand: + / +

Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAA-CTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTCGCTAAGTTTAAACAA-TTAAAGCGGTCAAAATGGGTGATTTCCGATT 97
Subject 19799 AAGATACCTTCTACAGATTAT-TTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAATTTATGTAATTTAAGCGGTGAAAATGGTGATTTCCGATC 19896
Query 98 TCAAGTACCAGACAAAACAGAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 180
Subject 19897 TCAAGTACCAGATAAACAGAAGATACCTACTAAAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTGTC 19979

cp. Score: 200.56 (108), E value: 7.31×10^{-51} , Identity: 158/182 (86.8%), Gaps: 3/182 (1.6%), Strand: + / -

Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAA-CTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTCGCTAAGTT-TAACAAATTTAAGCGGTCAAAATGGGTGATTTCCGATT 97
Subject 38750 AAGATACCTTCAACAGATTAT-TTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTCATTTAAGCGGTCAAAATGGGTGAATTTCCGATT 38653
Query 98 TCAAGTACCAGACAAAACAGAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 180
Subject 38652 TCAAGTAATAGGCGAECTGAAGATACCTTCTACAGAATTTAACTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 38570

cq. Score: 195.02 (105), E value: 3.40×10^{-49} , Identity: 157/182 (86.3%), Gaps: 3/182 (1.6%), Strand: + / -

Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAA-CTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTCGCTAAGTT-TAACAAATTTAAGCGGTCAAAATGGGTGATTTCCGATT 97
Subject 38282 AAGATACCTTCAACAGATTAT-TTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTCATTTAAGCGGTCAAAATGGGTGAATTTCCGATT 38185
Query 98 TCAAGTACCAGACAAAACAGAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 180
Subject 38184 TCAAGTAATAGGCGAECTGAAGATACCTTCTACAGAATTTAACTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTGTC 38102

cr. Score: 195.02 (105), E value: 3.40×10^{-49} , Identity: 157/182 (86.3%), Gaps: 3/182 (1.6%), Strand: + / -

Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAA-CTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTCGCTAAGTT-TAACAAATTTAAGCGGTCAAAATGGGTGATTTCCGATT 97
Subject 38516 AAGATACCTTCAACAGATTAT-TTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTCATTTAAGCGGTCAAAATGGGTGAATTTCCGATT 38419
Query 98 TCAAGTACCAGACAAAACAGAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 180
Subject 38418 TCAAGTAATAGGCGAECTGATGATACCTTCTACAGAATTTAACTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 38336

cs. Score: 193.17 (104), E value: 1.22×10^{-48} , Identity: 146/167 (87.4%), Gaps: 0/167 (0%), Strand: + / +

Query 11 CTAGAGATTCTGTTCACCTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTCGCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAAATGGGTGATTTCCGATTCTCAAGTACCAGACA 111
Subject 4980 CTAGAGATTCTGTTCACCTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTCGCTAAGTTTACATTTAAGCGGTCAAAATGGGTGATTTTACGATTTTCGAGTACAAAAGCG 5080

Query 112 AACAGAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTAT 177
|||||
Subject 5081 AACAGAAGATACTTTGTAGAGATTAAGTTCACCTAGTGCCCAAAACTATAAGTTGACCAAGTTAT 5146

ct. Score: 189.48 (102), E value: 1.58×10⁻⁴⁷, Identity: 152/177 (85.9%), Gaps: 0/177 (0%), Strand: + / +

Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAAATGGGTGATTTTCCGATTTTC 99
|||||
Subject 11713 AAGATACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTACATATTAAGCGGTCAAAATGGGTAATTTTACGATTTTC 11811
Query 100 AAGTACCAGACAAAACAGAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTAT 177
|||||
Subject 11812 GAGTACAAAGCGAACAGAGAAGATACTTTGTAGAGATTAAGTTCACCTAGTGCTCAAGAACTATAAAGTTGACCAAGTTAT 11889

cu. Score: 189.48 (102), E value: 1.58×10⁻⁴⁷, Identity: 152/177 (85.9%), Gaps: 0/177 (0%), Strand: + / +

Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAAATGGGTGATTTTCCGATTTTC 99
|||||
Subject 12410 AAGATACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTACGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTACATATTAAGCGGTCAAAATGGGTAATTTTACGATTTTC 12508
Query 100 AAGTACCAGACAAAACAGAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTAT 177
|||||
Subject 12509 GAGTACAAAGCGAACAGAGAAGATACTTTGTAGAGATTAAGTTCACCTAGTGCCCAAAACTATAAAGTTGACCAAGTTAT 12586

cv. Score: 189.48 (102), E value: 1.58×10⁻⁴⁷, Identity: 152/177 (85.9%), Gaps: 0/177 (0%), Strand: + / +

Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAAATGGGTGATTTTCCGATTTTC 99
|||||
Subject 17997 AAGATACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTACGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTACATATTAAGCGGTCAAAATGGGTAATTTTACGATTTTC 18095
Query 100 AAGTACCAGACAAAACAGAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTAT 177
|||||
Subject 18096 GAGTACAAAGCGAACAGAGAAGATACTTTGTAGAGATTAAGTTCACCTAGTGCCCAAAACTATAAAGTTGACCAAGTTAT 18173

cw. Score: 189.48 (102), E value: 1.58×10⁻⁴⁷, Identity: 152/177 (85.9%), Gaps: 0/177 (0%), Strand: + / +

Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAAATGGGTGATTTTCCGATTTTC 99
|||||
Subject 21507 AAGATACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTACGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTACATATTAAGCGGTCAAAATGGGTAATTTTACGATTTTC 21605
Query 100 AAGTACCAGACAAAACAGAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTAT 177
|||||
Subject 21606 GAGTACAAAGCGAACAGAGAAGATACTTTGTAGAGATTAAGTTCACCTAGTGCCCAAAACTATAAAGTTGACCAAGTTAT 21683

cx. Score: 189.48 (102), E value: 1.58×10⁻⁴⁷, Identity: 156/182 (85.7%), Gaps: 3/182 (1.6%), Strand: + / -

Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAA-CTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAAATGGGTGATTTTCCGATT 97
|||||
Subject 27209 AAGATACCTACTAAGATTAT-TTAAACCTGGTACACAAAAAAATAAATTGACTAAGTTATGTCATTTAAGTGGTCAAAATGGGTGATTTTCCGATT 27112
Query 98 TCAAGTACCAGACAAAACAGAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 180
|||||
Subject 27111 TCAAGTTATAGGCGAACTGAAGATACCTTCTACAGAATATTTAACTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 27029

cy. Score: 189.48 (102), E value: 1.58×10⁻⁴⁷, Identity: 156/182 (85.7%), Gaps: 3/182 (1.6%), Strand: + / -

Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAA-CTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAAATGGGTGATTTTCCGATT 97
|||||
Subject 52322 AAGATACCTTCTACAGATGAT-TTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAATGATGTCATTTAAGCGGTCAAAATAGTGATTTTCCGATT 52225
Query 98 TCAAGTACCAGACAAAACAGAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTC 180
|||||
Subject 52224 TCAAGTATTAGATAAACAGAAGATACCTACTAAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTGTC 52142

cz. Score: 189.48 (102), E value: 1.58×10⁻⁴⁷, Identity: 152/177 (85.9%), Gaps: 0/177 (0%), Strand: + / -

Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAAATGGGTGATTTTCCGATTTTC 99
|||||
Subject 53335 AAGATACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTACGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTACATATTAAGCGGTCAAAATGGGTAATTTTACGATTTTC 53237
Query 100 AAGTACCAGACAAAACAGAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTAT 177
|||||
Subject 53236 GAGTACAAAGCGAACAGAGAAGATACTTTGTAGAGATTAAGTTCACCTAGTGCCCAAAACTATAAAGTTGACCAAGTTAT 53159

da. Score: 189.48 (102), E value: 1.58×10⁻⁴⁷, Identity: 152/177 (85.9%), Gaps: 0/177 (0%), Strand: + / -

Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAAATGGGTGATTTTCCGATTTTC 99
|||||
Subject 54118 AAGATACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTACGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTACATATTAAGCGGTCAAAATGGGTAATTTTACGATTTTC 54020
Query 100 AAGTACCAGACAAAACAGAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTAT 177
|||||
Subject 54019 GAGTACAAAGCGAACAGAGAAGATACTTTGTAGAGATTAAGTTCACCTAGTGCCCAAAACTATAAAGTTGACCAAGTTAT 53942

db. Score: 185.78 (100), E value: 2.05×10⁻⁴⁶, Identity: 154/179 (86%), Gaps: 7/179 (3.9%), Strand: + / +

Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAA-CTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAAATGGGTGATTTTCCGATTTTC 99
|||||
Subject 2216 AAGATACCTTCTACAGATTAT-TTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATTGACTAAGTTATGTCATTTAAGCGGTCAAAATGGGTGATTTTCCGATTTTC 2314
Query 100 AAGTACCAGACAAAACAGAAGATACCTTATACAGATTAT-TTAAACCTGGTACAA-CAAAAACAATAAATTGACTAAGTT 175
|||||

Subject 38983 AAGATACCTTCTACAGATTAT-TAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATGACTAAGTTATGTCAATTTAAGCGGTCAAAAATGGGTGATTTCCGCTT 38886
Query 98 TCAAGTACCAGACAACAGAAGATACCTTATACAGATTAT-TTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATGACTAAGTT 175
Subject 38885 TCAAGTACCAGCGCAACAGAAGATACCTTCTAGAGATTCTGTTCAA-CTGGTACGCAAAAACAGTAAATTCCTAAGTT 38808

dv. Score: 174.71 (94), E value: 4.43×10⁻⁴³, Identity: 148/174 (85.1%), Gaps: 3/174 (1.7%), Strand: + / +

Query 9 TTCTAGAGATTCTGTTCAACT-GGTAAGCAAAAACAGTAAATGGCTAAGTT-TAACAAATTAAGCGGTCAAAAATGGGTGATTTCCGATTTC AAGT 103
Subject 297245 TTCTACAGACTATGTTCA-CTGGGGACCCAAAAACAACAAGTTGAATAGGTTATGACATTTAAGCGGTCAAAAATGGGTGAATTTCCGATTTC AAGT 297340
Query 104 ACCAGACAACAGAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATGACTAAGTTATGTC 180
Subject 297341 AATAGGCGAACAGAAGATACCTTCTACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATGGCTAGGTTATGTC 297417

dw. Score: 172.86 (93), E value: 1.59×10⁻⁴², Identity: 150/177 (84.7%), Gaps: 6/177 (3.4%), Strand: + / +

Query 6 ACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATGCCTAAGTT-TAACAAATTAAGCGGTCAAAAATGGGTGATTTCCGATTTC AAG 102
Subject 11253 ACCTTCCGCAGATTAAGTTCACCTGGTA-CCCAAAA-A-TAATTTGACCAAGTTATGA-AATTCACGCGGTCAAAAATGGGGGATTTCCGATTTC AAG 11347
Query 103 TACCAGACAACAGAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATGACTAAGTTATGTC 180
Subject 11348 TACAAGACGAACCGAAGATACCTTCTACAGATGATTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATGACTAAGTTGTGTC 11425

dx. Score: 171.01 (92), E value: 5.73×10⁻⁴², Identity: 102/107 (95.3%), Gaps: 0/107 (0%), Strand: + / +

Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATGCCTAAGTTTAAACAATTAAGCGGTCAAAAATGGGTGATTTCCGATTTC 99
Subject 22966 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTACGCAAAAACAGTAAATGCCTAAGTTTACATTTACGCGGTCAAAAATGGGTGATTTCCGATTTC 23064
Query 100 AAGTACCA 107
Subject 23065 AAGCACCA 23072

dy. Score: 169.16 (91), E value: 2.06×10⁻⁴¹, Identity: 150/178 (84.3%), Gaps: 6/178 (3.4%), Strand: + / +

Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAA-CTGGTAAGCAAAAACAGTAAATGCCTAAGTT-TAACAAATTAAGCGGTCAAAAATGGGTGATTTCCGATTTC 99
Subject 7911 AAGATACCTTCTACAGATT--ATTAACCTGGTACACAAAAACAATAAATGACTAAGTTATGTCAATTTAAGCGGTCAAAAATGGGTGATTTCCGATTTC 8009
Query 100 AAGTACCAGACAACAGAAGATACCTTATACAGATTAT-TTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATGACTAAGTT 175
Subject 8010 AAGTACCAGCGCAACAGAAGATACCTTCTAGAGATTCTGTTCAA-CTGGTAAGCAAAAACAGTAAATGCCTAAGTT 8085

dz. Score: 169.16 (91), E value: 2.06×10⁻⁴¹, Identity: 150/178 (84.3%), Gaps: 5/178 (2.8%), Strand: + / +

Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAA-CTGGTAAGCAAAAACAGTAAATGCCTAAGTT-TAACAAATTAAGCGGTCAAAAATGGGTGATTTCCGATT 97
Subject 19033 AAGATAACTACTAAAGATTAT-TTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATGACTAAGTTGTGTCAATTTAAGCGGTCAAAAATGGGTGATTTCCGCTT 19130
Query 98 TCAAGTACCAGACAACAGAAGATACCTTATACAGATTAT-TTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATGACTAAGTT 175
Subject 19131 TCAAGTACCAGCGCAACAGAAGATACCTTCTAGAGATTCTGTTCAA-CTGGTACGCAAAAACAGTAAATGCCTAAGTT 19208

ea. Score: 169.16 (91), E value: 2.06×10⁻⁴¹, Identity: 112/122 (91.8%), Gaps: 1/122 (0.8%), Strand: + / +

Query 59 TTAACAATTTAAGCGGTCAAAAATGGGTGATTTCCGATTTC AAGTACCAGACAACAGAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAA 157
Subject 19283 TTAA-ATTTAAGCGGTCAAAAATGGGTGATTTCTGATTTC AAGTACCAGATGAACAGAAGATACCTACTAAAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAA 19380
Query 158 CAATAAATGACTAAGTTATGTC 180
Subject 19381 CAATAAATGACTAAGTTGTGTC 19403

eb. Score: 169.16 (91), E value: 2.06×10⁻⁴¹, Identity: 149/177 (84.2%), Gaps: 3/177 (1.7%), Strand: + / -

Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAA-CTGGTAAGCAAAAACAGTAAATGCCTAAGTT-TAACAAATTAAGCGGTCAAAAATGGGTGATTTCCGATT 97
Subject 33736 AAGATACCTTCTACAGATTAT-TTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATGACTAAGTTATGTCAATTTAAGCGGTCAAAAATGGGTGATTTCCGATT 33639
Query 98 TCAAGTACCAGACAACAGAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATGACTAAGTT 175
Subject 33638 TCAAGTAAATAGGCGCAACAGAAGATTCCTTTTACAGATTATGTTACATGTTACACAAAAACAATAAATGATGAAGTT 33561

ec. Score: 169.16 (91), E value: 2.06×10⁻⁴¹, Identity: 150/178 (84.3%), Gaps: 5/178 (2.8%), Strand: + / -

Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAA-CTGGTAAGCAAAAACAGTAAATGCCTAAGTT-TAACAAATTAAGCGGTCAAAAATGGGTGATTTCCGATT 97
Subject 40120 AAGATACCTTCTACAGATTAT-TTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATGACTAAGTTATGTCAATTTAAGCGGTCAAAAATGGGTGATTTCCGCTT 40023
Query 98 TCAAGTACCAGACAACAGAAGATACCTTATACAGATTAT-TTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATGACTAAGTT 175
Subject 40022 TCAAGTACCAGCGCAACAGAAGATACCTTCCAGAGATTCTGTTCAA-CTGGTACGCAAAAACAGTAAATGCCTAAGTT 39945

ed. Score: 169.16 (91), E value: 2.06×10⁻⁴¹, Identity: 150/178 (84.3%), Gaps: 5/178 (2.8%), Strand: + / -

Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAA-CTGGTAAGCAAAAACAGTAAATGCCTAAGTT-TAACAAATTAAGCGGTCAAAAATGGGTGATTTCCGATT 97
Subject 53452 AAGATACCTTCTACAGATGAT-TTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATGACTAATTTATGTCAATTTAAGCGGTCAAAAATGGGTGATTTCCGCTT 53355

Subject 26862 AAGATACCTTTTACAGATTAT-TTAAACCTGGTACACAAAAACAGTAAATGACTAA-TTTATGTCAATTTAAGCGGTCAAAATGGGTGATTTTCCGAT 26766
 Query 97 TTCAAGT 103
 Subject 26765 TTCAAGT 26759

ga. Score: 108.23 (58), E value: 4.56×10⁻²³, Identity: 91/106 (85.8%), Gaps: 5/106 (4.7%), Strand: + / -

Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAA-CTGGTAAGCAAAAAACAGTAAATGCTTAAGTTA--ACAATTTAAGCGGTCAAAATGGGTGATTTTCCGAT 96
 Subject 32098 AAGATACCTTCTACAGATTAT-TTAAACCTGTTACACAAAAACAGTAAATGACTAA-TTTATGTCAATTTAAGCGGTCAAAATGGGTGATTTTCCGAT 32002
 Query 97 TTCAAGT 103
 Subject 32001 TTCAAGT 31995

gb. Score: 108.23 (58), E value: 4.56×10⁻²³, Identity: 91/106 (85.8%), Gaps: 5/106 (4.7%), Strand: + / -

Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAA-CTGGTAAGCAAAAAACAGTAAATGCTTAAGTTA--ACAATTTAAGCGGTCAAAATGGGTGATTTTCCGAT 96
 Subject 37931 AAGATACCTTCTACAGATTAT-TTAAACCTGTTACACAAAAACAGTAAATGACTAA-TTTACGTCAATTTAAGCGGTCAAAATGGGTGATTTTCCGAT 37835
 Query 97 TTCAAGT 103
 Subject 37834 TTCAAGT 37828

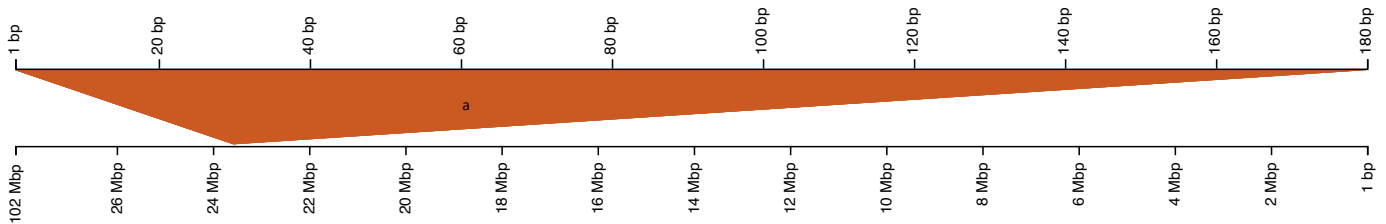
gc. Score: 100.84 (54), E value: 7.63×10⁻²¹, Identity: 104/128 (81.3%), Gaps: 3/128 (2.3%), Strand: + / +

Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAA-CTGGTAAGCAAAAAACAGTAAATGCTTAAGTT-TAACAATTTAAGCGGTCAAAATGGGTGATTTTCCGA 95
 Subject 297354 AAGATACCTTCTACAGATTAT-TTAAACCTGTTACACAAAAACAATAAATGGGTAGGTTATGTCAATTTAAGAGACCAAAATGGGTGATTTTCCGA 297449
 Query 96 TTTCAAGTACCAGACAACAGAAGATACCTT 126
 Subject 297450 TTTCAAGTACCGGTGAACAGAAGATAACT 297480

ref|NT_037436.4| Drosophila melanogaster chromosome 3L

Hit 2. Length: 28,110,227

Graphical overview of aligning region(s)



a. Score: 305.82 (165), E value: 1.51×10⁻⁸², Identity: 175/180 (97.2%), Gaps: 0/180 (0%), Strand: + / -

Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAAACAGTAAATGCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAAATGGGTGATTTTCC 93
 Subject 23571974 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAAACAGTAAATGCCTAAGTTTACATTTAAGCGGTCAAAATGGGTGATTTTCC 23571882
 Query 94 GATTTCAAGTACCAGACAACAGAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATGACTAAGTTATATGTC 180
 Subject 23571881 GATTTCAAGTACCAGACAACAGAAGATACCTTCTACAGATTATTTAAACCTAGTACACAAAAACAATAAATGACTAAGTTATATGTC 23571795

b. Score: 305.82 (165), E value: 1.51×10⁻⁸², Identity: 175/180 (97.2%), Gaps: 0/180 (0%), Strand: + / -

Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAAACAGTAAATGCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAAATGGGTGATTTTCC 93
 Subject 23572205 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAAACAGTAAATGCCTAAGTTTACATTTAAGCGGTCAAAATGAGTGATTTTCC 23572113
 Query 94 GATTTCAAGTACCAGACAACAGAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATGACTAAGTTATATGTC 180
 Subject 23572112 GATTTCAAGTACCAGACAACAGAAGATACCTTCTACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATGACTAAGTTATATGTC 23572026

c. Score: 283.66 (153), E value: 7.05×10⁻⁷⁶, Identity: 171/180 (95%), Gaps: 0/180 (0%), Strand: + / -

Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAAACAGTAAATGCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAAATGGGTGATTTTCC 93
 Subject 23572676 AAGACACCTTCTGGAGATTCTGTTCAACTGGTACGCAAAAAACAGTAAATGCCTAAGTTTACATTTAAGCGGTCAAAATGGGTAAATTTCC 23572584
 Query 94 GATTTCAAGTACCAGACAACAGAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATGACTAAGTTATATGTC 180
 Subject 23572583 GATTTCAAGTACCAGACAACAGAAGATACATTCTACAGATTATTTAAACCTGGTACACAACAATAAATGACTAAGTTATATGTC 23572497

d. Score: 278.12 (150), E value: 3.28×10⁻⁷⁴, Identity: 170/180 (94.4%), Gaps: 0/180 (0%), Strand: + / -

Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAAACAGTAAATGCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAAATGGGTGATTTTCC 93
 Subject 23572909 AAGACACCTTCTGGAGATTCTGATCAACTGGTACGCAAAAAACAGTAAATGCCTAAGTTTACATTTAAGCGGTCAAAATGGGTAAATTTCC 23572817
 Query 94 GATTTCAAGTACCAGACAACAGAAGATACCTTATACAGATTATTTAAACCTGGTACACAAAAACAATAAATGACTAAGTTATATGTC 180
 Subject 23572816 GATTTCAAGTACCAGACAACAGAAGATACATTCTACAGATTATTTAAACCTGGTACACAACAATAAATGACTAAGTTATATGTC 23572730

e. Score: 206.10 (111), E value: 1.57×10⁻⁵², Identity: 117/120 (97.5%), Gaps: 0/120 (0%), Strand: + / -

Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAAATGGGTGATTTTCC 93
|||||
Subject 23572443 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGGAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTACATTTTAAAGCGGTCAAAATGGGTGATTTTCC 23572351
Query 94 GATTTCAAGTACCAGACAAACAGAAGA 120
|||||
Subject 23572350 GATTTCAAGTACCAGACAAACAGAAGA 23572324

f. Score: 139.62 (75), E value: 1.62×10^{-32} , Identity: 79/81 (97.5%), Gaps: 0/81 (0%), Strand: + / -

Query 1 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTAAACAATTTAAGCGGTCAAAAT 81
|||||
Subject 23571741 AAGACACCTTCTAGAGATTCTGTTCAACTGGTAAGCAAAAACAGTAAATTGCCTAAGTTTAAACATTTTAAATCGGTCAAAAT 23571661